

# Paksusuolisyyvän uudet tuulet ja 2014 tulleet uutuudet

Pia Österlund el, dosentti  
Kliininen opettaja  
HY/HYKS syöpätaudit  
29 elokuuta 2014

## Sidonnaisuudet

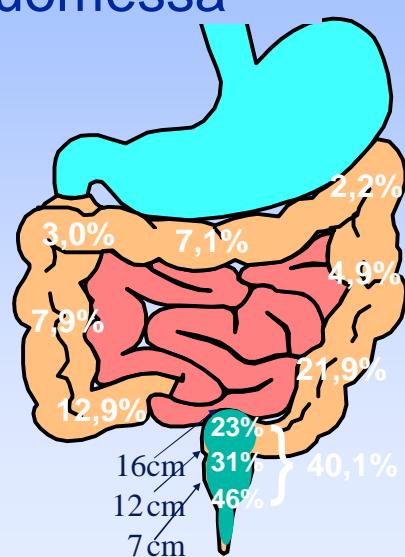
- Palkkioita ja/tai matkakorvauksia: Amgen, Bayer, Celgene, EliLilly, Merck, Roche, Sanofi
- Tutkimusrahoitusta: Amgen, Roche, Sanofi
- Advisory board toimintaa: Amgen, Bayer, Celgene, Eli Lilly, Merck, Roche, Sanofi

## Oppimistavoitteet

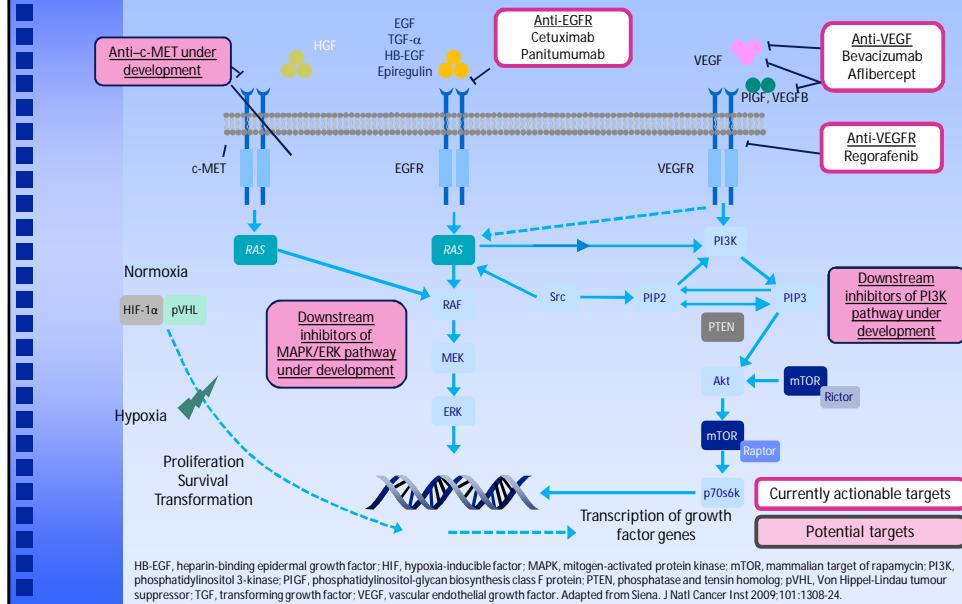
- Mitä uutta vuoden aikana joka vaikuttaisi hoitokäytäntöön
  - ◆ Retrospektiivinen *KRAS*, *NRAS* ja *BRAF* mutaatioanalyysi parantaa täsmälääkkeiden satunnaistettujen faasi II ja III tutkimusten tuloksia
  - ◆ H2H vertailut EGFRmabi vs bevasitumabi
  - ◆ TAS-102 viimeisen linjan hoitona

## Suolistosyöpää kolmanneksi yleisin syöpää Suomessa

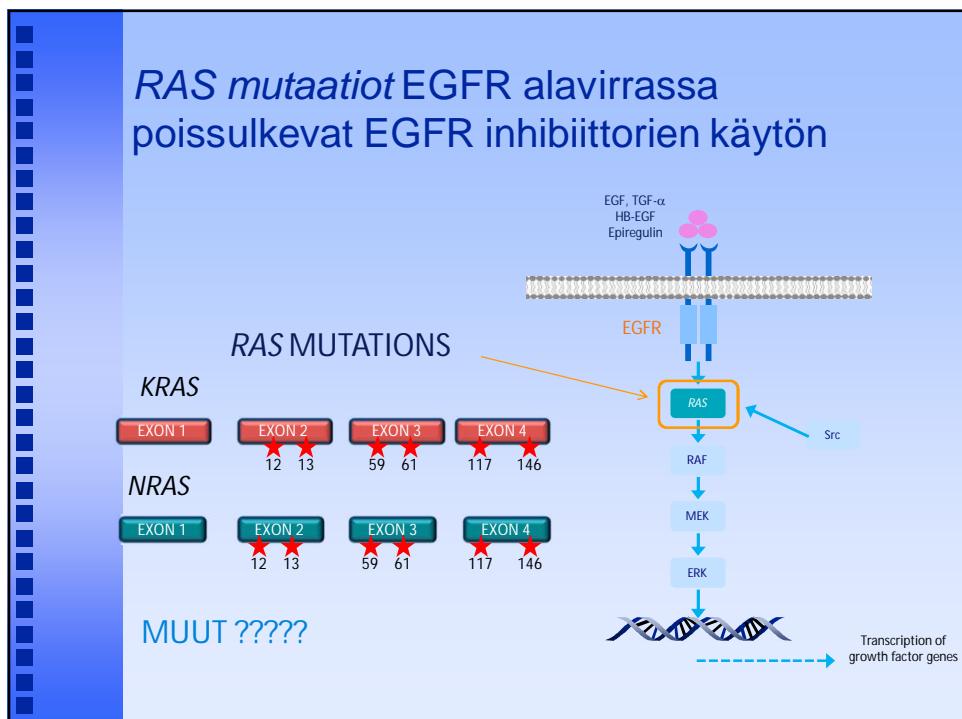
- 3.022 uutta suolistosyöpäää Suomessa 2012:
  - Ohutsuolisyöpiä 118 (59 miehillä+ 60 naisilla)
  - Paksusuolisyöpiä 1833 (899 miehillä+ 934 naisilla)
  - Peräsuolisyöpiä 1071 (617 miehillä+ 454 naisilla)
- 1.269 kuolemantapausta vuonna 2012
  - Ohutsuolisyöpiä 61 (52%) (36 miehillä+ 25 naisilla)
  - Paksusuolisyöpiä 765 (42%) (358 miehillä+ 407 naisilla)
  - Peräsuolisyöpiä 443 (46%) (259 miehillä+ 184 naisilla)



## VEGF ja EGFR signalointireitit ovat tehokkaita kohteita levinneen suolistosyövän hoidossa

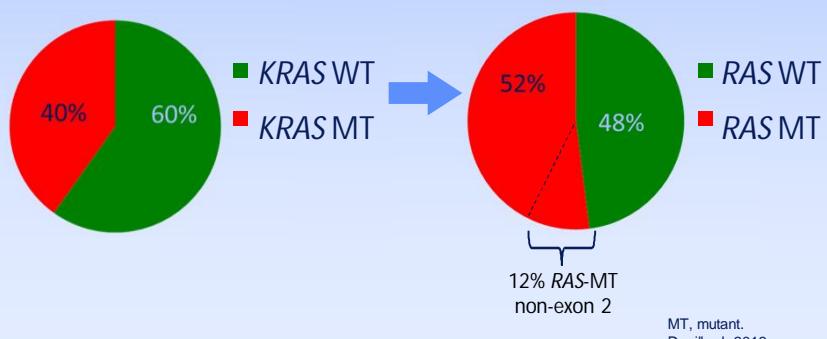


## RAS mutaatiot EGFR alavirrassa poissulkevat EGFR inhibiittorien käytön



## RAS mutaatiot rajaavat pois yli puolet EGFR vasta-ainehoitokokeiluista

Noin 12 % muuttuvat mutaatoituneiksi silirytäessä KRAS WT → RAS WT

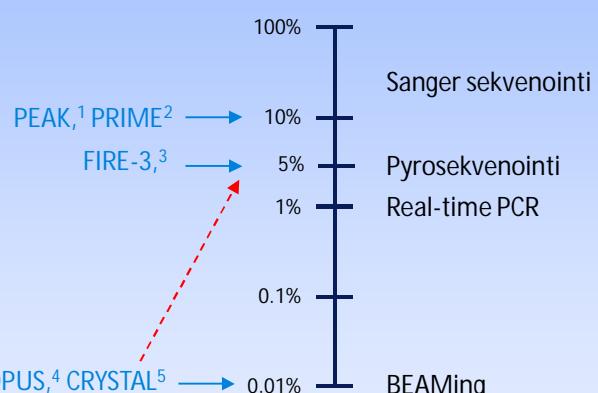


## Mutaatioherkkyyys vaihtelee eri menetelmillä ja klinisesti merkittävä kynnys on noin 5 %

Mutatoitunut DNA/kokonais DNA

BEAMing menetelmällä mutaatioherkkyykskynnyssä jopa 0.01% RAS mutaatioille (KRAS eksonit 3 ja 4; NRAS eksonit 2, 3 ja 4)

BEAMing menetelmällä analysoiduissa tutkimuksissa klininen kynnys on ollut ≥5%



## RAS mutaatio-osuus ensilinjan tutkimuksissa

- Potilaat joilla KRAS koodoni 12/13 WT tuumori (eksoni 2 WT)

Study	Evaluable Patients*	Method	Sensitivity (%)	Other RAS Mutations, %
OPUS	118	BEAMing <sup>†</sup>	0.01	26.3
CRYSTAL	430	BEAMing <sup>†</sup>	0.01	14.7
FIRE-3 <sup>‡</sup>	407	Pyrosequencing	1–5	16.0
PRIME <sup>§</sup>	620	Sanger sequencing/WAVE	5	17.4
PEAK	221	Sanger sequencing/WAVE	5	23.1

Riippuen testausmenetelmästä ja kynnyksestä niin todetaan 16 - 26% RAS mutaatioita lisää

## MT RAS heikentää ennustetta EGFR vastaanetta saavilla muttei vaikuta solunsalpaajiin

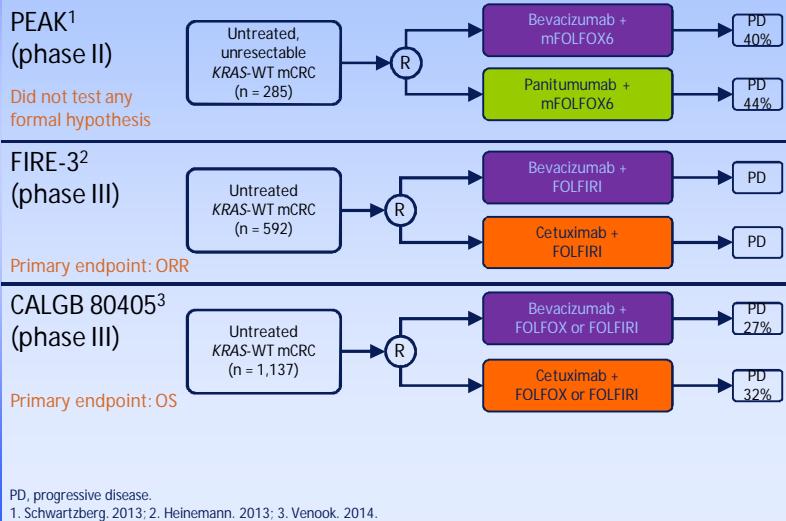
PRIME <sup>1,2</sup>			OPUS <sup>3,4</sup>			CRYSTAL <sup>3,5</sup>		
Treatment	PFS	OS	Treatment	PFS	OS	Treatment	PFS	OS
Panitumumab + FOLFOX4 (n = 325)	10.0	23.9	Cetuximab + FOLFOX4 (n = 82)	8.3	22.8	Cetuximab + FOLFIRI (n = 316)	9.9	23.5
FOLFOX4 (n = 331)	8.6	19.7	FOLFOX4 (n = 97)	7.2	18.5	FOLFIRI (n = 350)	8.4	20.0
	HR 0.80*	HR 0.88		HR 0.57*	HR 0.86		HR 0.70*	HR 0.80*

RAS mutaatiot ovat negatiivinen prediktioinen tekijä EGFR vastaaneteiden osalta, muttei prognostinen

KRAS Ex2 WT	No RAS MT = RAS WT	Panitumumab + FOLFOX4 (n = 259)	10.1	25.8	Cetuximab + FOLFOX4 (n = 36)	12.0	20.7	Cetuximab + FOLFIRI (n = 178)	11.4	28.4
		FOLFOX4 (n = 253)	7.9	20.2	FOLFOX4 (n = 46)	5.8	17.8	FOLFIRI (n = 189)	8.4	20.2
Any RAS MT			HR 0.72*	HR 0.77*		HR 0.43*	HR 0.83		HR 0.56*	HR 0.69*
		Panitumumab + FOLFOX4 (n = 272)	7.3	15.5	Cetuximab + FOLFOX4 (n = 94)	5.6	13.4	Cetuximab + FOLFIRI (n = 246)	7.4	16.4
		FOLFOX4 (n = 276)	8.7	18.7	FOLFOX4 (n = 78)	7.8	17.8	FOLFIRI (n = 214)	7.5	17.7
			HR 1.31*	HR 1.21*		HR 1.59*	HR 1.35		HR 1.10	HR 1.05

\*Statistically significant. HR, hazard ratio; PFS, progression-free survival.  
 1. EU SmPC Vectibix; 2. Douillard. 2013; 3. EU SmPC Erbitux; 4. Tejpar. 2014; 5. Giardello. 2014.

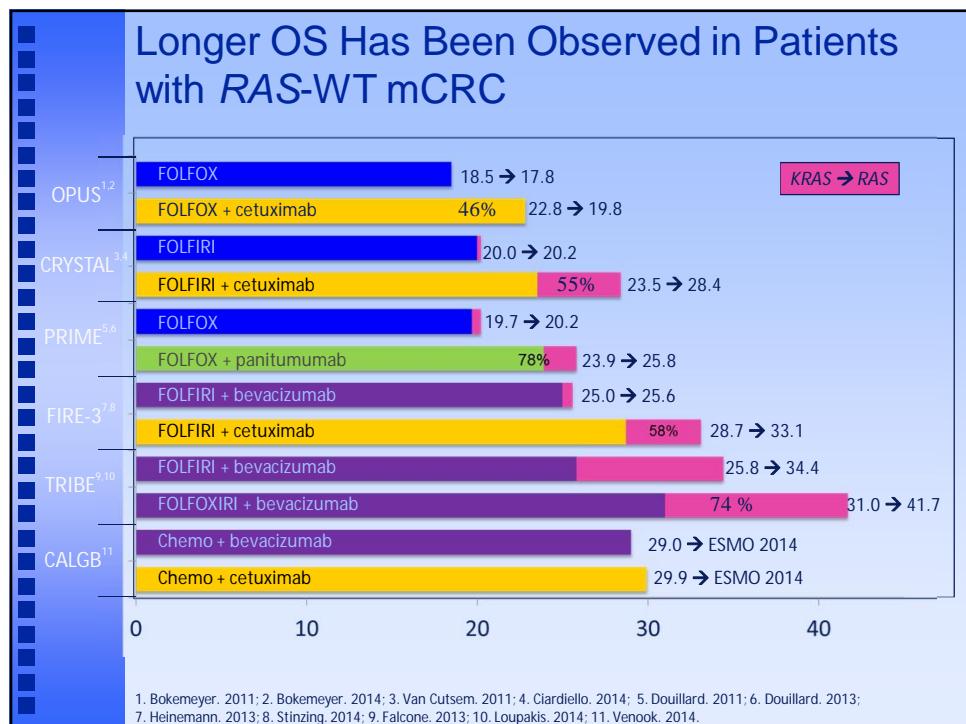
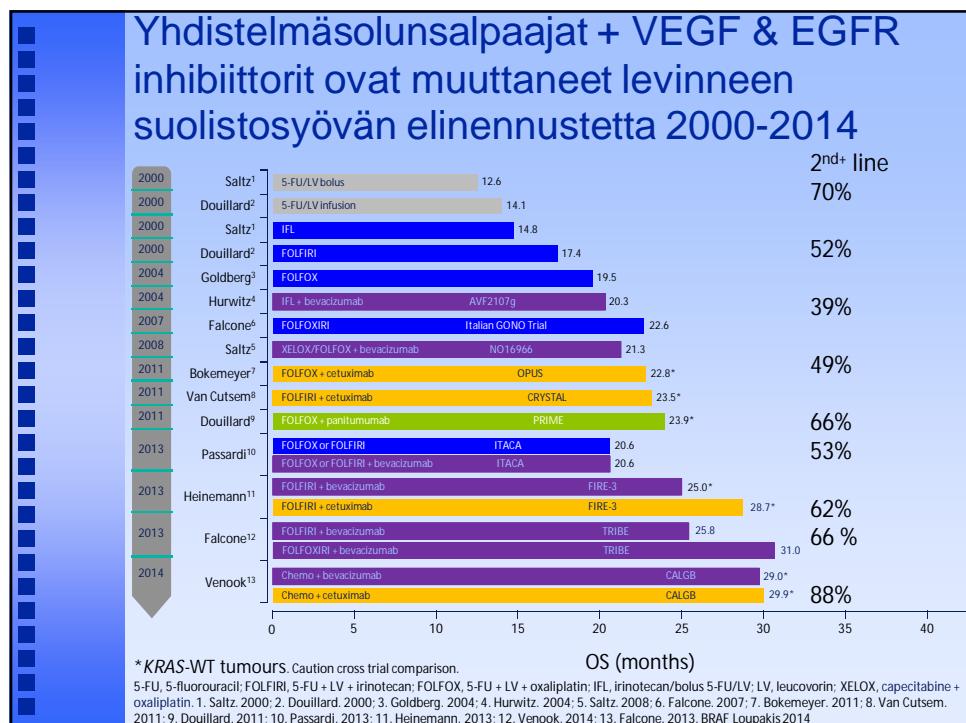
## H2H vertailu – 3 satunnaistettua tutkimusta, eri päätemuuttujat ja potilasmääät



Kolme H2H tutkimusta joissa päätemuuttujan suhteen ei ole eroa EGFRmabin ja bevasitsumabin välillä **KRAS-WT mCRC:ssä**

Trial	Median OS (mo)	Median PFS (mo)	Median ORR (%)
PEAK <sup>1</sup> (phase II) ( <i>KRAS</i> WT)		Primary endpoint <b>PFS</b>	
No formal hypothesis tested			
Bevacizumab + mFOLFOX6 (n = 143)	24.3 HR = 0.62 <i>p</i> = 0.009	10.1 HR = 0.87 <i>p</i> = 0.353	54.0
Panitumumab + mFOLFOX6 (n = 142)	34.2	10.9	58.0
FIRE-3 <sup>2</sup> (phase III) ( <i>KRAS</i> WT)		Primary endpoint <b>RR</b>	
Bevacizumab + FOLFIRI (n = 295)	25.0 HR = 0.77 <i>p</i> = 0.017	10.3 HR = 1.06 <i>p</i> = 0.547	58.0 HR = 1.18 <i>p</i> = 0.183
Cetuximab + FOLFIRI (n = 297)	28.7	10.0	62.0
CALGB 80405 <sup>3</sup> (phase III) ( <i>KRAS</i> WT)			
Primary endpoint <b>OS</b>			
Bevacizumab + FOLFOX or FOLFIRI (n = 559)	29.0 HR = 0.92 <i>p</i> = 0.34	10.8 HR = 1.04 <i>p</i> = 0.55	(56-61%)
Cetuximab + FOLFOX or FOLFIRI (n = 578)	29.9	10.4	(67-62%)

1. Schwartzberg. 2014; 2. Heinemann. 2013; 3. Venook. 2014.



## TAS-102

- Suun kautta otettava nukleosidin estääjä
- Trifluridiini (FTD) inkorporoituu DNA:han estään sen jakautumisen
- Tipirasiili hydrokloridi (TPI) estää suun kautta otetun FTD:n degradation
- 35 mg/m<sup>2</sup> kahdesti päivässä päivinä 1-5 ja 8-12, Q 28 pv

Yoshino ESMO-GI 2014:abstract O-0022

## TAS-102, RE COURSE n= 800

- Satunnaistettu faasi III RE COURSE tutkimus
  - ◆ Refraktäärisiä: 5-FU, oksali, irinot, bevasit, EGFRmabi (regorafenibi annettu osalle potilaista)
  - ◆ Randomointi 2:1 (TAS 534 vs placebo 266)
- OS 7.1 vs 5.3 kuukautta
  - ◆ HR 0.68, CI 0.58-0.81, P <.0001
- PFS 2.0 vs 1.7 kuukautta
  - ◆ HR = 0.48; CI 0.41-0.57, P <.0001
- RR 1.6 vs 0.4% p=ns, DCR 44 vs 16%, P <.0001
- Hyvin siedetty
  - ◆ Ripuli (3 vs 0.4%), oksentelu (2.1 vs 0.4%), pahoinvointi (1.9 vs 1.1%), fatigue (3.9 vs 5.7%) ja stomatiitti (0.4 vs 0%) -
- “A clinically meaningful improvement”

Yoshino ESMO-GI 2014:abstract O-0022

